

農業部獸醫研究所

112 年第四季禽流感病毒分析訊息

高病原性禽流感病毒 A/goose/Guangdong/1/96 (H5N1)自 1996 年出現後，已演化成許多分支，其中 2.3.4.4 分支亦演化為許多亞分支(subclade)。臺灣分別於 104 年和 110 年出現 2.3.4.4c 分支和 2.3.4.4b 分支 H5Nx 亞型的疫情，其中 2.3.4.4b 分支在臺灣於 110 年 8 月首次檢出 H5N2 亞型；111 年 11 月首度檢出 H5N1 亞型，隨後 H5N1 即成為病例的主要檢出亞型，目前累計檢出九種基因型。

112 年第四季禽場病例檢出的高病原性家禽流行性感冒病毒，均為 2.3.4.4b 分支 H5N1 亞型。本季報挑選兩株病毒進行分析，分別為基因型三和基因型四。

■ 2.3.4.4b 分支 H5N1 亞型基因型三

編號 23120006 的 H5N1 亞型病毒，檢出自 112 年 12 月 27 日由臺南市送檢的雞，屬於基因型三，為目前檢出的主要基因型之一，該基因型代表株 22120004 檢出自彰化縣送檢的雞。23120006 病毒與代表株相比，核酸序列相似度為 99.0~99.7% (表一)，胺基酸序列相似度 99.1~100% (表三)。

■ 2.3.4.4b 分支 H5N1 亞型基因型四

編號 23120002 的 H5N1 亞型病毒，檢出自 112 年 12 月 5 日由苗栗縣送檢的鵝，為該縣首次檢出 H5N1 亞型病毒，屬於基因型四，該基因型代表株 22120006 檢出自雲林縣送檢的雞。23120002 病毒與代表株相比，核酸序列相似度為 99.2~99.7% (表二)，胺基酸序列相似度 98.6~100% (表四)。

臺灣自 104 年爆發高病原性禽流感病毒 2.3.4.4c 分支 H5Nx 亞型的疫情以來，陸續出現不同的優勢病毒株並逐漸取代原有病毒株，然而 2.3.4.4b 分支 H5N2 亞型於 110 年 8 月首次檢出後，僅四個月即成為主要檢出之病毒株。111 年第四季首度檢出新入侵臺灣的 2.3.4.4b 分支 H5N1 亞型，並於一個月內迅速成為病例主要檢出之亞型。呼籲家禽及週邊野鳥若有任何異常務必主動通報送檢，以免高病原性禽流感病毒持續擴散造成產業損失。

(本季分離株之核酸序列若有學者有研究參考需求，請逕向獸醫所洽取。)

表一、2.3.4.4b分支H5N1禽流感病毒23120006與基因型三代表株22120004之核酸序列相似度(%)

22120004 H5N1	PB2	PB1	PA	HA	NP	NA	M	NS
23120006 H5N1	99.2	99.0	99.4	99.5	99.5	99.0	99.7	99.4

表二、2.3.4.4b分支H5N1禽流感病毒23120002與基因型四代表株22120006之核酸序列相似度(%)

22120006 H5N1	PB2	PB1	PA	HA	NP	NA	M	NS
23120002 H5N1	99.5	99.2	99.2	99.3	99.6	99.3	99.7	99.6

表三、2.3.4.4b分支H5N1禽流感病毒23120006與基因型三代表株22120004之胺基酸序列相似度(%)

22120004 H5N1	PB2	PB1	PA	HA	NP	NA	M1	M2	NS1	NS2
23120006 H5N1	99.5	99.5	99.2	99.8	100	99.1	100	100	99.1	99.2
變異位	S79N I147T A588S T637I	V370M I606V K721R K736R	V5A T85N S224A E237K D444N E623G	D171N	--	I8M F20V N73S S247N	--	--	E71G R118K	R86K

表四、2.3.4.4b分支H5N1禽流感病毒23120002與基因型四代表株22120006之胺基酸序列相似度(%)

22120006 H5N1	PB2	PB1	PA	HA	NP	NA	M1	M2	NS1	NS2
23120002 H5N1	99.6	99.3	98.9	99.1	100	99.1	100	100	98.6	99.2
變異位	T117P N559T R574K	A144T M372I K391R I535V A643T	I137M N222S Y241C K262R D316G G397E M460V E613K	K69N L145R D252N E267K K522R	--	V234I D398E N434K S450G	--	--	C59R I176N S195T	L19M