

行政院農業委員會家畜衛生試驗所
105 年第四季禽流感病毒分析訊息

本季選擇 2 株 H5N8 病毒株 (w17 與 x37) 進行分析。w17 分離自 105 年 11 月 17 日送檢的臺中市屠宰場雞隻，根據紀錄回溯該禽場位於南投縣；x37 分離自 105 年 12 月 21 日送檢的臺北市屠宰場雞隻，根據紀錄回溯該禽場位於苗栗縣。

兩病毒株基因體分析結果如附表。兩病毒株之 HA 基因仍屬於 2.3.4.4 分群的 H5 高病原性家禽流行性感冒病毒。w17 病毒株係由 104 年 1 月臺灣 H5N8 genotype I 病毒持續演化而來，其 PA 基因與日本野鳥監測到的 A/duck/Hokkaido/W240/2014 (H5N3) 病毒株親緣性最高，NS 基因與中國 A/chicken/Wuhan/WHJF/2014 (H5N2) 病毒株親緣性最高。x37 病毒株之 8 段基因與疫情早期 (104 年 1 月) 病毒株仍有高相似度 (98.9~99.6%)。

家禽流行性感冒病毒仍持續演化變異中，嚴密監控疫情，選取適當病材送檢，以儘速將病毒的傳播途徑阻斷並予以清除非常重要。

(本季分離株之核酸序列若有學者有研究參考需求，請逕向畜衛所洽取。)

H5N8 病毒株前後期序列比較

H5N8 genotype I 前期：104 年 1 月 11 日，鵝，嘉義，病例編號 a15

H5N8 genotype new reassortant：105 年 11 月 17 日，雞，臺中市國產屠宰場，病例編號 w17

H5N8 genotype II 前期：104 年 1 月 13 日，鴨，臺南，病例編號 a68

H5N8 genotype II 後期：105 年 12 月 21 日，雞，臺北市家禽批發市場附屬屠宰場，病例編號 x37

表一、核酸序列相似度（%）

	PB2	PB1	PA	HA	NP	NA	M	NS
H5N8 genotype I (a15 與 w17)	99.4	99.2	91.5	99.4	99.4	99.1	98.9	94.3
H5N8 genotype II (a68 與 x37)	99.6	98.9	99.0	98.9	99.1	99.0	99.4	99.4

表二、胺基酸序列相似度（%）

	PB2	PB1	PA	HA	NP	NA	M1	M2	NEP	NS1
H5N8 genotype I (a15 與 w17)	99.7	98.9	91.6	99.5	99.6	98.5	100	97.9	96.7	93.5
變異位	N102K L713M	T228A S293L E390K T566A E614G P627S M646I S654N	-	K30E T204A P251S	I301V S482N	R51G N78S E79G I83T I112V D395G V444A	-	R11K I61M	-	-
H5N8 genotype II (a68 與 x37)	99.7	98.9	99.0	99.1	99.8	99.4	99.6	100	100	99.1
變異位	I63V K663R	K207R S216G I322V M348L D377N V640I A652S S654N	F51L I120V H128Q R391K A475T M561L V602A	V10A A99T T204I S336N E384V	I408V	W77L N166S T295K	Q198H	-	-	V84L T91N