行政院農業委員會家畜衛生試驗所

108年第一季禽流感病毒分析訊息

本季選擇 2 株 H5N2 亞型家禽流行性感冒病毒進行分析,1 株分離自 108 年 2 月 23 日屏東縣送檢的畜牧場死雞(編號 19020007),另 1 株分離自 3 月 13 日彰化縣送檢的畜牧場死雞(編號 19030004)。兩病毒株 HA 基因屬於 H5 高病原性禽流感病毒 2.3.4.4 分支 Group icA,係由 104 年 1 月臺灣新型 H5N2 病毒持續演化而來,然而一部分的內部基因已發生重組(reassortment)。本季分析的病毒株分屬兩個不同重組型:19020007 病毒株與 107 年第三季發現的 18080001 病毒株為同一重組型,與 104 年的 a5 病毒株相比,PB2、PB1、PA 發生重組;而 19030004 病毒株則與 107 年第二季偵測到的 18050007 病毒株為另一重組型,與 a5 病毒株相比,PB2、PB1、PA、NP 和 NS 有重組。

比較本季 19020007 病毒株與 104 年的 a5 病毒株的五段未重組基因,蛋白質編碼區的核酸序列差異為 1.52~2.37%,胺基酸序列差異 0.40~3.42%;而與去年最早發現的相同重組型 18080001 病毒株比較,蛋白質編碼區之核酸序列差異介於 0.34~1.22%。本季 19030004 病毒株和 a5 病毒株相較,三段未重組基因的核酸序列差異為 1.89~2.65%,胺基酸序列差異 0.00~2.16%;與去年最早發現的相同重組型 18050007 相比,蛋白質編碼區之核酸序列差異為 0.31~1.10%。

依據全長序列分析,以 107 年 5 月病例號 18050007 為重組型代表株之新興病毒群,在近一年的檢出病例中,已陸續從台北市、桃園市、雲林縣、嘉義縣與屏東縣家禽檢體分別檢出; 另以 107 年 8 月病例號 18080001 為重組型代表株之病毒群,也可從台北市、新竹縣、雲林縣、高雄市與屏東縣檢體中檢出,並均可於不同禽種中分離到。上述結果顯示,此兩群新興 H5N2 病毒在 107 年經過內部基因重組後,在 1 年內期間已成為主要流行株,而原先未重組之 H5N2 病毒群在經過 4 年之流行後,於 107 年 11 月 8 日後未於送檢病例中檢出。另外在今年陽性病例中,來自屠宰場、化製場及棄屍的比例也較過往增加,此情形可再加以觀察及探討。目前新興 H5N2 重組株持續發生於家禽場,應落實現有病例場之間的關聯與各種可能傳播途徑的阻斷、加強主動送檢、落實周邊監測,以確實且有效地減少病毒傳播鏈。

(本季分離株之核酸序列若有學者有研究參考需求,請逕向畜衛所洽取。)

前後期 H5N2 病毒株核酸和胺基酸序列比較

H5N2 前期:104年1月9日,鵝,雲林,病例編號 a5

H5N2 後期: 107 年 8 月 14 日,雞,屏東縣送檢,病例編號 18080001 (第三季)

108年2月23日,雞,屏東,病例編號19020007(本季)

107年5月9日,雞,屠宰場送檢,編號18050007(第二季)

108年3月13日,雞,彰化,病例編號19030004 (本季)

表1、蛋白質編碼區的核酸序列差異度(%)

19020007	PB2	PB1	PA	НА	NP	NA	M	NS
a5	•	•	•	2.19%	1.52%	2.37%	1.68%	1.85%
18080001	0.85%	0.71%	1.14%	0.77%	0.34%	0.72%	0.83%	1.22%

19030004	PB2	PB1	PA	НА	NP	NA	M	NS
a5	*	*	*	2.65%	*	2.46%	1.89%	*
18050007	0.76%	0.67%	0.52%	0.71%	0.40%	0.94%	0.31%	1.10%

備註:重組的基因片段以符號●和★表示。

表 2、胺基酸序列差異度(%)

X Z · Ng	PB2	PB1	PA	НА	NP	NA	M1	M2	NS1	NS2
a5 與			•	1.61%	0.81%	2.85%	0.40%	3.19%	1.32%	3.42%
19020007				1.0170	0.0170	2.0370	0.1070	3.1770	1.3270	3.1270
變異位			重組			I26V			K71E T127N G209D	
						V50A				
				A9V		I57V				
				K30E		D86N	G111E			
				M63V	I63M	R107Q		P10L		T14M
	_	_		D70N	V414I	I114V		N20S		G36E
	重組	重組		L145V	S417N	G135S		I51V		V52M
				A149T	T424I	K143R				N85H
				S157P		T238A				
				Q234R		D286N				
				A543V		G357E				
						R435K				
C 452						M467V				
a5 與 19030004	*	*	*	2.16%	*	1.74%	0.00%	2.11%	*	*
	重組 重組	重組	重組	A9V	重組				重組	
				S12N						
變異位				K30E		N47S				
				M63V		G135S				
				P139T		K143R				
				P152S		G248R		P10L		重組
				S157P		D286N		I51V		王 紀
				I167V		W403R				
				I194V		S416N				
				T204A		M467V				
				S519R						
				A543V						